

Laboklin GmbH & Co. KG, Max Kämpf-Platz 1 Postfach, 4002 Basel

Border Collie Club Schweiz  
Zuchtwartin Corinne Rella  
Preussischhof  
5630 Muri  
Schweiz

**Résultat d'analyses Nr.:** 2406-C-14065  
Réception le: 15.06.2024  
Date du résultat: 25.06.2024  
Début de l'analyse: 15.06.2024  
Fin de l'analyse:  
Statut des résultats: Résultat partiel

Espèce:	Hund
Race:	Border Collie
Sexe:	männlich
Nom:	Ulson de l'Ardoise Bergère
Nr. du pedigree:	LOS 801337
Nr. de la puce:	250269591253128
Date de naissance / Âge:	04.01.2023
Nature du prélèvement:	EDTA-Blut
Date de prélèvement:	14.06.2024
Echantillonneur:	Dr. Med. Vet. Favre Jocelyne
Propriétaire de l'animal:	Bourqui, Daniel
Club:	Border Collie Club Schweiz (BCCS)
Numéro EDP / ID des résultats:	---

## Syndrome de Imlerslund-Grösbeck (IGS)- PCR

Résultat :genotype N/N

Interpretation: l'animal examine est homozygote normal. Il n'est pas porteur de la mutation responsable du syndrome d'Imlerslund-Grösbeck (malabsorption selective de cobalamine).

Mode de transmission : autosomique recessif

Une correlation entre cette mutation et cette maladie est a ce jour decrite dans les races suivantes : Border Collie.

## Syndrome de séquestration des neutrophiles (TNS) - PCR

Résultat: Génotype N/N Interpretation: l' animal examiné est homozygote normal. Il n'est donc pas porteur sur le gPne VPS13B de la mutation responsable du syndrome de séquestration des neutrophiles (TNS). Mode de transmission: autosomique récessif. Une corrélation entre cette mutation et cette maladie est à ce jour décrite dans les races suivantes: Border Collie.

**Céroïde-lipofuscinose neuronale (NCL) - PCR**

Résultat; génotype N/N (sain)

Interprétation: le chien examiné est homozygote normal. Il est donc pas porteur de la mutation responsable de la NCL sur le gène-CL5.

Mode de transmission : autosomique récessif.

Une corrélation entre cette mutation et la maladie est à ce jour décrite dans les races suivantes: Border Collie et le Bouvier australien

**Glaucome et Goniodysgénésie (GG) - PCR**

Résultat : génotype N/N

Interprétation: le chien examiné est homozygote normal. Il n'est donc pas porteur sur le gène OLFM3 de la mutation responsable de cette forme de glaucome (GG).

Mode de transmission: autosomique récessif.

Une corrélation entre cette mutation et la maladie est à ce jour décrite dans la race suivante: Border Collie

**Mutation du gène MDR1 (sensibilité médicamenteuse) - PCR**

Résultat :génotype N/N (+/+)

Interprétation:le chien examiné est homozygote normal et ne porte donc pas la mutation dans le gène MDR1 responsable d'une hypersensibilité à certains médicaments,notamment l'ivermectine et ses dérivés.Il est sain et ne transmettra pas cette mutation à sa descendance.

Sont concernées les races suivantes:Colley,Berger australien,Bobtail, Border et Bearded Collies, Berger des Shetland,Whippet à poil long, Silken Windhound,Bergers allemand et blanc suisse(liste non limitative).

Remarque : des cas isolés d' individus hétérozygotes ayant développé les symptômes de la maladie ont été rapportés

Le test génétique qui met en évidence la mutation nt230 (de14) du gène MDR1, est réalisé d'après la publication deMealey et al. (2001) "Ivermectin sensitivity in collies is associated with a deletion mutation of the mdr1 gene."

**Syndrome de Raine - PCR**

Résultat: génotype N/N

Interprétation: l'animal examiné est homozygote normal. Il n'est donc pas porteur sur le gène FAM20C de la mutation responsable du syndrome de Raine.

Mode de transmission: autosomique récessif.

Une corrélation entre cette mutation et cette maladie est à ce jour décrite dans les races suivantes: Border Collie.

## Neuropathie sensitive (SN) - PCR

Résultat: Génotype N/N

Interprétation: l' animal examiné est homozygote normal . Il n'est donc pas porteur sur le gène FAM 134B de la mutation responsable de la neuropathie sensitive.

Mode de transmission : autosomique récessif

Une corrélation entre cette mutation et la maladie est à ce jour décrite dans les races suivantes : Border collie.

## Anomalie de l'oeil du Colley \*

Résultat: Génotype N/N (libre) Interprétation: Le chien examiné est sain (homozygote) pour le gène intact. Il n'est pas porteur de la mutation décrite comme responsable de l'Anomalie Oculaire du Colley (CEA/CH). Seul le gène intact sera transmis à la descendance. Le résultat vaut seulement pour les races de Colley, Border Collie, Berger australien, Shetland, Lonhaired Whippet, Retriever de la Nouvelle-Ecosse, Lancashire Heeler et Hokkaido.

Ce résultat ne concerne que le prélèvement reçu et analysé par le laboratoire. Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

Le donneur d'ordre est responsable de l'authentification des données relatives à l'animal et au prélèvement. Le laboratoire est tenu à une obligation de moyens. Les dommages et intérêts sont limités au montant des prestations réalisées, et ce dans la limite légale autorisée. Le laboratoire est accrédité selon la norme DIN EN ISO/IEC 17025:2018 pour les prestations de ce rapport d'analyses. (sauf les prestations des laboratoires partenaires)

## Identification ADN - par marqueurs STR (ISAG 2006) - PCR

Amelogenin:	Y/X
AHT 121:	94/108
AHT 137:	145/145
AHTH 130:	- / -
AHTH 171:	225/225
AHTH 260:	240/240
AHTK 211:	91/91
AHTK 253:	288/292
CXX 279:	114/118
FH 2054:	152/152
FH 2848:	242/244
INRA 21:	95/101
INU 005:	126/132
INU 030:	150/150
INU 055:	210/210
REN 105 L 03:	233/233
REN 162 C 04:	202/202
REN 169 D 01:	210/218
REN 169 O 18:	160/170
REN 247 M 23:	266/276
REN 54 P 11:	232/236
REN 64 E 19:	145/149

Ce résultat ne concerne que le prélèvement reçu et analysé par le laboratoire. Le donneur d'ordre est responsable de l'authentification des données relatives à l'animal et au prélèvement. Le laboratoire est tenu à une obligation de moyens. Les dommages et intérêts sont limités au montant des prestations réalisées, et ce dans la limite légale autorisée.

Le laboratoire est accrédité selon la norme DIN EN ISO 17025:2018 pour les prestations de ce rapport d'analyses.

Avec l'empreinte génétique (profil ADN) que vous avez commandé est inclus un certificat (sauf pour les tests d'affectation raciale), à la condition que le prélèvement ait été officiellement réalisé et authentifié par un vétérinaire. Veuillez vérifier l'exactitude de toutes les données relatives à l'animal et au propriétaire. Une fois le certificat édité, toute correction devra faire l'objet d'une confirmation écrite par le vétérinaire. De plus, les éventuelles corrections ne pourront être prises en compte que jusqu'à la fin du mois suivant la transmission du résultat d'analyses (Ex: si date du résultat = 5 février, modification possible jusqu'à fin mars). Nous attirons votre attention sur le fait que les modifications apportées a posteriori à un certificat seront facturées en plus séparément.

Portokosten

### Prélèvement:

Le prélèvement issu de cet animal a été réalisé et authentifié de manière officielle par le vétérinaire suivant:

**Dr. Med. Vet. Favre Jocelyne**

**Les remises accordées aux (membres des) clubs de race ont été appliquées pour les tests concernés par ces remises.**

\*: Examen par le laboratoire partenaire



Frau Dr.med.vet. Maray Willen  
Tierärztin

**\*\*\* Fin du résultat \*\*\***